

大容量の淀川水系河川水からの
病原性原虫類の検出

平成29年3月22日

関西医療大学医学部
大西義博・大瀧博文

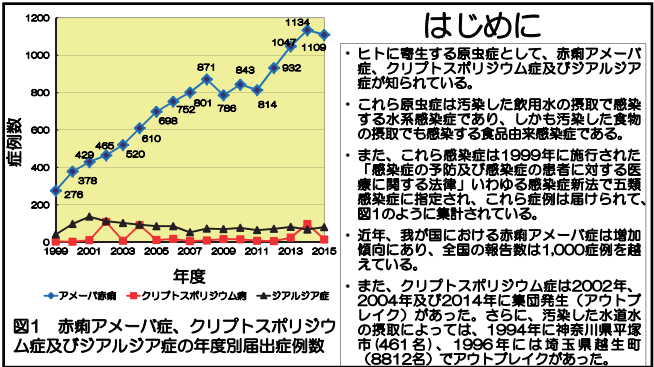
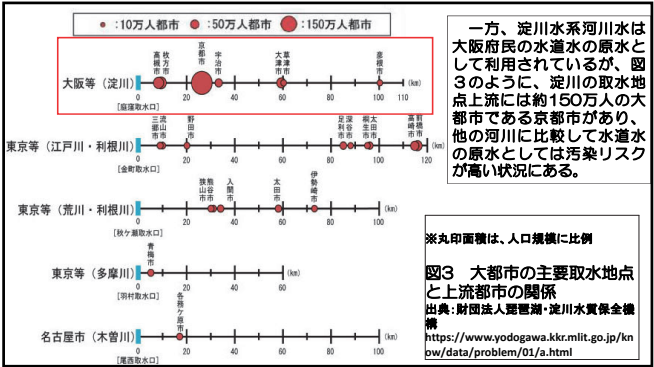
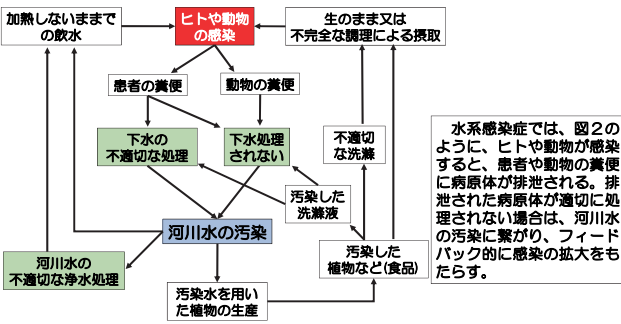


図2 水系感染症の感染様式



目的

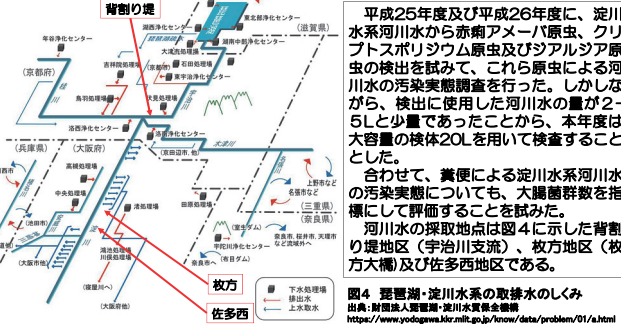
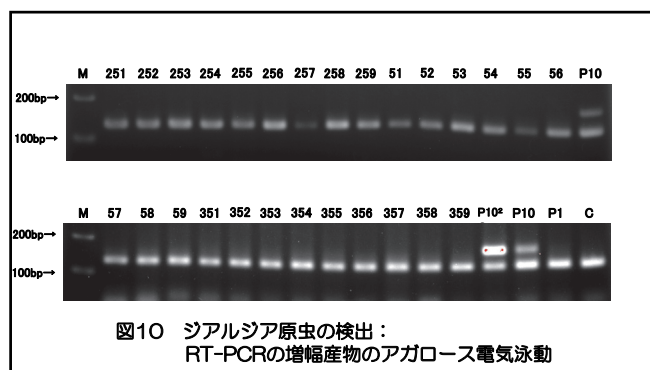
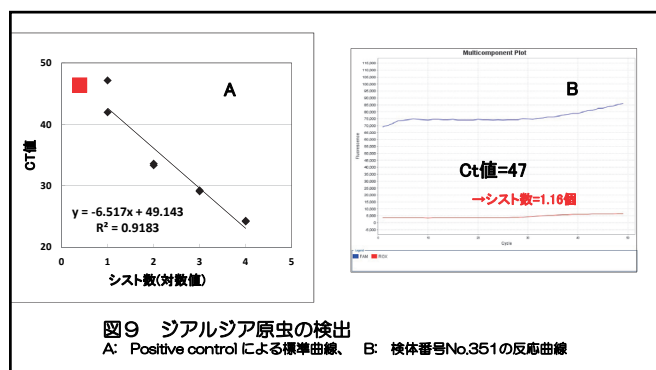
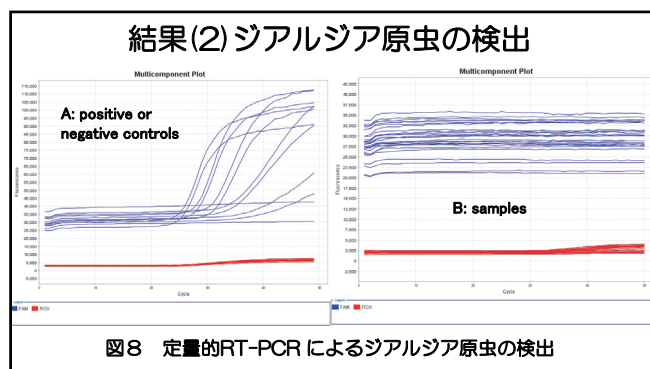
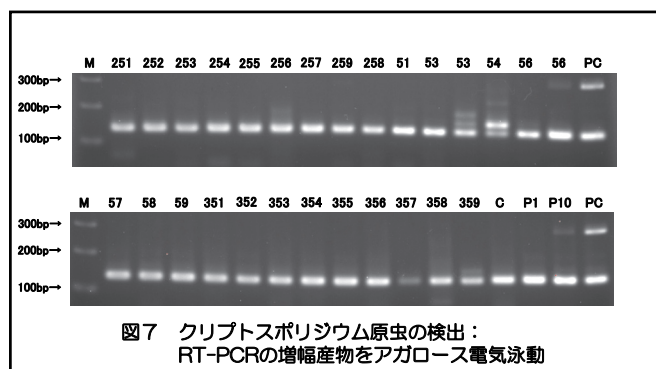
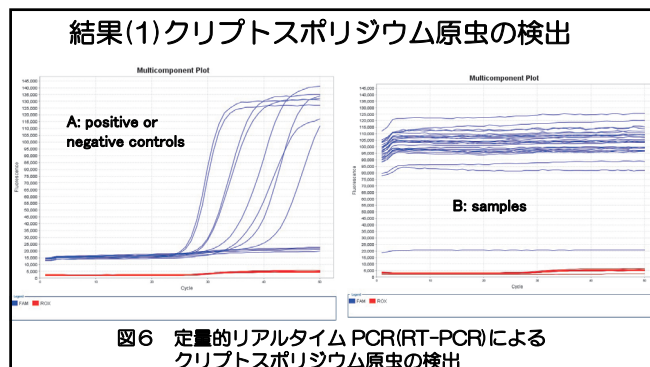
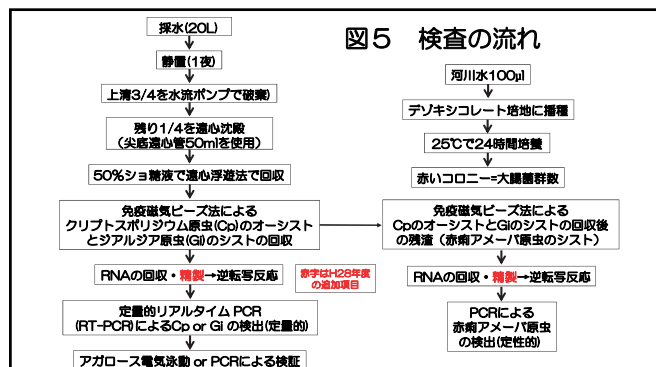


表1 検体の採取日、採集地点及び検体番号

採取日	採取地点	検体番号	採取日	採取地点	検体番号
2016年5月17日	背割堤	351	10月17日	背割堤	356
5月17日	枚方	51	10月17日	枚方	56
5月17日	佐太西	251	10月17日	佐太西	256
6月21日	背割堤	352	11月14日	背割堤	357
6月21日	枚方	52	11月14日	枚方	57
6月21日	佐太西	252	11月14日	佐太西	257
7月19日	背割堤	353	12月19日	背割堤	358
7月19日	枚方	53	12月19日	枚方	58
7月19日	佐太西	253	12月19日	佐太西	258
8月23日	背割堤	354	2017年1月14日	背割堤	359
8月23日	枚方	54	1月14日	枚方	59
8月23日	佐太西	254	1月14日	佐太西	259
9月26日	背割堤	355			
9月26日	枚方	55			
9月26日	佐太西	255			



結果(3)アメーバ原虫の検出

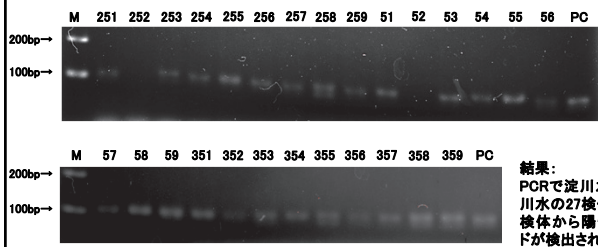


図11 アメーバ原虫の検出(定性的): PCRの増幅産物のアガロース電気泳動

結果:
PCRで淀川水系河
川水の27検体中25
検体から陽性バン
ドが検出された。

結果(4)大腸菌群数の検出

表2 降水量の積算値と大腸菌群数

採取日	採取 地点	検体 番号	降水量 積算値	大腸菌群数 (cfu/100ml)	採取日	採取 地点	検体 番号	降水量 積算値	大腸菌群数 (cfu/100ml)
2016年					10月17日	背割堤	356	59.0	54,667
5月17日	背割堤	351	60.5	58,333	10月17日	枚方	56	179.0	56,000
5月17日	枚方	51	235.5	59,667	10月17日	佐太西	256	193.0	5,667
5月17日	佐太西	251	272.0	74,667	11月14日	背割堤	357	1.0	833
6月21日	背割堤	352	42.5	33,667	11月14日	枚方	57	2.5	2,933
6月21日	枚方	52	150.0	118,667	11月14日	佐太西	257	2.5	1,467
6月21日	佐太西	252	174.5	34,000	12月19日	背割堤	358	0.5	2,567
7月19日	背割堤	353	0.5	9,333	12月19日	枚方	58	0.5	1,667
7月19日	枚方	53	0.5	7,000	12月19日	佐太西	258	0.5	2,933
7月19日	佐太西	253	0.5	43,667	2017年				
8月23日	背割堤	354	0.5	700	1月14日	背割堤	359	0.5	33
8月23日	枚方	54	1.0	1,633	1月14日	枚方	59	2.0	567
8月23日	佐太西	254	1.0	900	1月14日	佐太西	259	2.0	567
9月26日	背割堤	355	25.5	6,000					
9月26日	枚方	55	102.5	9,667					
9月26日	佐太西	255	117.0	9,000					

背割堤の降水量は大津+信濃、枚方の降水量は園部+京都+大津+信濃+京田辺+上野、佐太西の降水量は園部+京都+大津+信濃+京田辺+上野+枚方、各地点の1時間ごとの計測値の24時間積算値(mm)で表した(ただし、検体採取前24時間が晴れの場合は、降水量積算値を積算より0.5mmとした)。

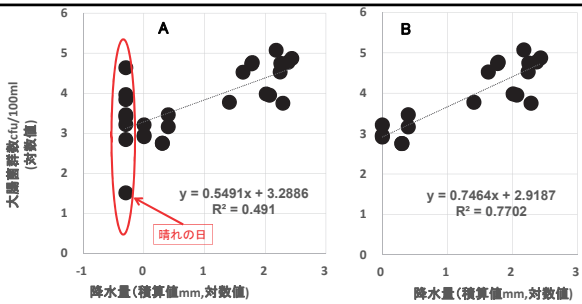


図12 検出した大腸菌群数と降水量との関係
A: 検査したすべての検査成績、B: 晴れの日を除いた時の検査成績、
晴れの日では便宜上、降水量を0.5mmとして計算した。

まとめ

- ・平成28年5月17日から平成29年1月14日に採取した大容量(20L)の淀川水系河川水27検体からクリプトスポリジウム原虫、ジアルジア原虫及び赤痢アメーバ原虫の検出を試みた。
- ・クリプトスポリジウム原虫はサイクリングプローブ法を用いた定量的RT-PCRで検出されなかった。
- ・ジアルジア原虫については、背割堤(宇治川支流)から採取した淀川水系河川水No.351から1.16個のシストが定量的RT-PCRで検出された。
- ・赤痢アメーバ原虫が淀川水系河川水27検体中25検体からPCRで検出された(定性的)。
- ・現在、いずれの原虫の検出でもSybergreenを用いた定量的RT-PCRも検討中である。
- ・また、糞便による汚染の有無について、大腸菌群数を指標に検討した。
- ・淀川水系河川水100mlあたり、33~118,667cfuの大腸菌群数が検出された。検出される大腸菌群数は降水量と正の相関を示した。
- ・晴れの日でも、43,667cfuと比較的多い大腸菌群数が検出された日があった。

今後の課題

1. 今回も、サイクリングプローブ法の定量的RT-PCRを行ったが、反応当初から蛍光強度が高く、反応液中に反応阻害物質の混入が考えられた。
→阻害物質の除去については今後の課題である。
2. 今回も、水系感染症であるクリプトスポリジウム原虫、ジアルジア原虫及び赤痢アメーバ原虫の検出を試みたが、陽性や陰性の判定に困難を極めた。
→検査キットやPCR用プライマーの特異性についての再検討が必要と考えられる。
3. 今回検査した3種類の原虫類は、大腸菌に比べて比較的大型であることから、大腸菌よりも容易に下水処理水から除去でき、河川水の汚染を排除できるものと考えられる。
→大腸菌群数を指標にすることで、これら原虫による河川水の汚染度を把握できるものと考えられる。
4. ただ、大腸菌群が0.1mg/lの塩素濃度で5分ほどで死滅するのに対して、これら原虫は塩素消毒に比較的高い抵抗力を示すと考えられている。
→このことから、下水処理法の改良が必要であると考えられ、塩素消毒の時間の延長が必要であると考えられる。

謝辞

本研究を遂行するにあたり、多大な研究助成を賜りました公益財団法人琵琶湖・淀川水質機構並びに関係各位に心より感謝を申し上げますとともに、貴財団のますますの発展をお祈り申し上げます。

ご清聴ありがとうございました